

rabV-----TTATTCTTATT-----TAT--  
rabM-----GAAGAT-----  
30233212-----AAAAAT-----  
30233250-----CTATTAGTAATTTATCTTGTGGGTTCAAGAATCAAGGAGGTATTCAAAGATTGATACAC  
rab7A-----AAGCAT-----  
rabK1-----ATG-----  
rabS-----  
rabP-----  
rabU-----  
rabN2-----  
30232D-----TACTAAAACACTACTCTCATCGA-----TGAATATGAACAAATTAAATAATAA-----  
30229988-----ACTCTAAC-----C-----AAATTTCATCAACTTGAAATA-----AAA-TTAAATTACAAT-CTTCTT-----TG-----  
30233190-----TATGAAAAACAAACCTCATCAACTTGAAATA-----AAA-TTAAATTACAAT-CTTCTT-----  
30230049-----ATTCAAGCTTATA-----TAA-----  
30233251-----AAAAAAGTGAaaaATTaaaaaaAGTGAAAAATGAATAAAAAAAATAACAAAAACAAATAA-----  
rabR-----  
30233251-----ACAAAGCGAGGTATAA-----  
rabT2-----  
30233251-----AAGGTATTCAG-----GTTT-----TTTAAAAAAGAAATA-----AATAAAA-----A-AAC-----  
rabO-----  
30233251-----ATAAAAATTAAAAAAAGAAA-AAAAAA-AAAAAAAACTGT-TTGG-----  
rabT1-----  
30233251-----AGAATTTTAACAAAGT-----TATTCAATAATTCA-----  
rab7B-----  
30233251-----AATATCAATAATTCA-----  
rabL-----  
30233251-----T-----AG-AAG-----